



XI Simposio Colombiano & VII Congreso Latinoamericano de Virología  
Barranquilla, 13 al 15 de noviembre de 2025

ÁREA TEMÁTICA: Hepatitis.

<https://dx.doi.org/10.14482/sun.01.303.866>

ACV-2025-058

## Mutaciones en el ORF de la polimerasa del virus de la hepatitis B en muestras de pacientes con infección crónica

LAURA ISABEL MONTOYA MARTÍNEZ<sup>1</sup>, ISABELA PALACIO GAVIRIA<sup>1</sup>,  
JOSÉ ALEJANDRO RAMÍREZ SUÁREZ<sup>1</sup>, MELISSA MONTOYA GUZMÁN<sup>1</sup>,  
JUAN CARLOS RESTREPO<sup>1,2</sup>, MAURICIO ORREGO<sup>3</sup>, MARÍA CRISTINA NAVAS<sup>1</sup>

<sup>1</sup> Grupo Gastrohepatología, Facultad de Medicina, Universidad de Antioquia, Medellín (Colombia).

<sup>2</sup> Unidad de Hepatología, Hospital Pablo Tobón Uribe, Medellín (Colombia).

<sup>3</sup> Clínica las Vegas, Medellín (Colombia).

**Correspondencia:** María Cristina Navas. maria.navas@udea.edu.co

## RESUMEN

**Introducción:** La infección crónica por el virus de la hepatitis B (VHB) es un factor de riesgo de hepatopatías terminales a nivel global. El tratamiento antiviral disponible permite el control de la replicación de VHB, aunque no el aclaramiento viral; en principio es necesario un esquema de tratamiento a término indefinido con la posibilidad de selección de mutaciones en el genoma viral asociadas a resistencia. El objetivo es identificar mutaciones en el ORF pol del VHB en muestras de pacientes con diagnóstico de hepatitis B crónica con o sin historia de tratamiento antiviral.

**Métodos:** Se realizó un estudio en muestras de sangre obtenidas de 25 pacientes con diagnóstico de hepatitis B crónica, de los cuales 16 no habían recibido tratamiento antiviral. Luego de la extracción de ADN a partir de las muestras de suero utilizando un kit comercial, se amplificó el ORF P del genoma del VHB mediante PCR anidada y PCR en tiempo real. Se realizó secuenciación con el método Sanger y se analizó la presencia de mutaciones con BioEdit, MEGA 11 y Geno2Pheno.

**Resultados:** En 4/25 (16 %) muestras se amplificó el ORF P del genoma del VHB; las 4 muestras corresponden a individuos con hepatitis B crónica sin historia de tratamiento antiviral. En estas muestras no se identificaron mutaciones primarias o secundarias asociadas a resistencia al antiviral, análogo de nucleósido, entecavir (ETV); se identificaron 10 cambios de aminoácidos en el dominio RT del ORF Pol rtH35Q, rtS259A, rtT38A, rt126Y, rtF151Y, rtR153W, rtE271H, rtC332S, rtD134Y y rtN139H.

**Conclusiones:** Este estudio permitió demostrar la ausencia de mutaciones asociadas a resistencia entecavir en muestras de pacientes con hepatitis B crónica sin historia de tratamiento antiviral. Aunque se identificaron 10 cambios de aminoácidos en la región RT del ORF P.

**Palabras clave:** hepatitis B, antivirales, entecavir, mutación, ORFP, hepatitis B crónica.